

# Enzyme

- Phytylchrom - Oxidase  $\leftrightarrow$  (gamma-chrom c)
- ⇒ Redoxreaktion
- ⇒ Biokatalyse

## Biokatalyse

- Substratspezifisch
- Stereospezifisch
- Reaktionspezifisch

## Nomenklatur der Enzyme

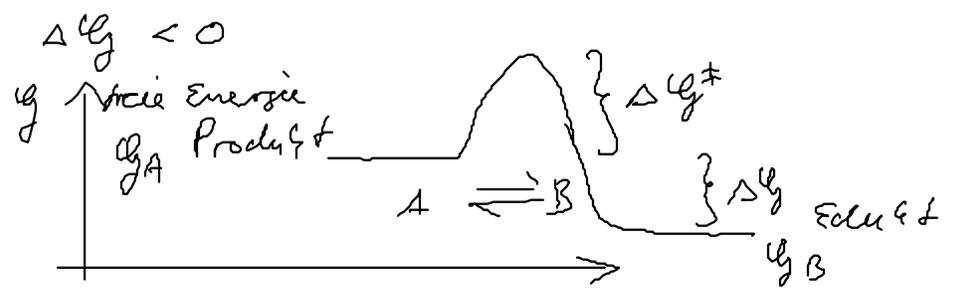
- Oxidoreduktase Redoxreaktion (Oxidation = Abgabe von  $e^-$ )  
z.B. Katalase  $2 H_2O_2 \rightleftharpoons 2 H_2O + O_2$
- Transferase (Transport von Proteinen)  
z.B. Kinase
- Hydrolase z.B. Phosphatase (Spaltung mit Wasser)
- Lyase  $\rightarrow$   $\leftarrow$  Synthase (Spaltung ohne Wasser)
- Isomerase (Umbau des „Gerüsts“)
- Ligase  $\rightarrow$   $\rightarrow$  Synthetase (Sassen 2 Teile mit ATP zusammen)

## Coenzyme Hilfsstoffe des Enzyms

- als Cosubstrat (z.B. ATP) frei löslich
- Coenzym prosthetisch gefügt immer (kovalent) gebunden
- Metallionen z.B. Fe, Cu, Zn, Mg, Mo

Cys }  
His } Seitenketten die mit  
Glu } Metallion reagieren  
Asp }

# Thermodynamische Bed. für Reaktion →



- kinetisch: Aktivierungsenergie  $\Delta G^\ddagger$   
 Reaktion findet schnell oder langsam ( $\Delta G^\ddagger$  relativ groß) statt
- Katalysator senkt  $\Delta G^\ddagger$   
 für  $\Delta G^\ddagger$  um  $39 \frac{\text{kJ}}{\text{mol}}$  kleiner  $\Rightarrow$  Reaktion findet 10<sup>8</sup> mal schneller statt  
 Geschwindigkeitskonstante  $k = \exp\left[-\frac{\Delta G^\ddagger}{RT}\right]$
- Übergangszustand muss perfekt in Katalysator passen  

 dass  $\Delta G^\ddagger$  abgesenkt wird.

## Proteasen

- Prototypen der Enzyme
- Spaltung von Peptidbindungen  
 z.B. Trypsin (Verdauungsenzyme)  
 $\Rightarrow$  gewisse Substratspezifität  
 $\Rightarrow$  Endopeptidase
- katalytische Triade: Ser, His, Asp

## Serin-Proteasen

- Trypsin, spaltet hinter Arg, Lys (positiv geladene Seitengr.)
- Chymotrypsin spaltet hinter großen hydrophoben Resten
- Elastase spaltet hinter kleinen Resten (Gly)
- Thrombin spaltet Fibrinogen an R-Glu
- Subtilisin (anderer Tertiärstruktur, konvergente Evolution)  
 $\rightarrow$  unspezifisch

} Verdauung

## HIV-Protease

- 2 Aspartatreste  $\Rightarrow$  Spiegel-symmetrisch  
 $\Rightarrow$  minimales Proteingerüst

## Ribozyme

- Tetrahymena prä-rRNA

## Enzymkinetik

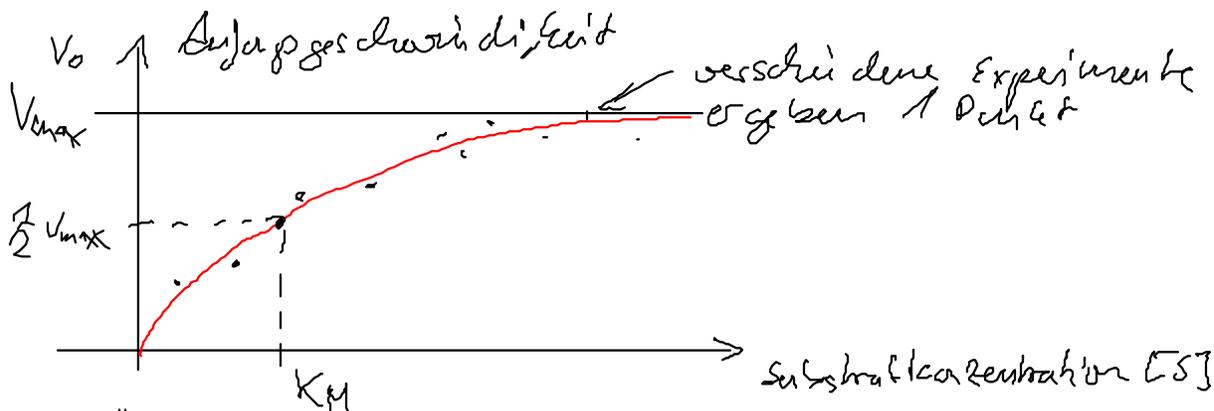
$\Rightarrow$  quantitative Aussagen

### Regulation der Enzymaktivität:

- Inhibitoren: kompetitiv, kovalent
  - allosterische Effektoren
  - Kontrolle durch Phosphorylierung  
durch hydrolytische Spaltung
  - transkriptionale Kontrolle
  - translationale
  - Enzymabbau
- } Aktivität
- } Mengenregulation

## typische Sättigungskurve

$\Rightarrow$  kinetische Parameter ablesbar



- Sättigung, bei zu viel Substrat keine höhere Geschw.
- Homöostät, Myozin kein Enzym  
 $\Rightarrow$  gleiches Bindungsprinzip wie Enzyme

## Charakteristische Parameter der Michaelis-Menten Kinetik

- Maximalgeschw.  $v_{max}$
- Michaelis's Konstante  $K_M \hat{=} [S]$  bei Erreichen von  $\frac{1}{2} v_{max}$   
großes  $K_M \Rightarrow$  ineffizientes Enzym  
kleines  $K_M \Rightarrow$  effizientes Enzym